

Spis treści

Od Redaktora	7
Rozdział 1	11
Specyficzności głównego <i>locus</i> zgodności tkankowej – oznaczanie, ocena i wykorzystanie wyników w procedurze doboru pary dawca–biorca przeszczepu komórek krwiotwórczych	
Małgorzata Polak, Katarzyna Kościńska	
Rozdział 2	39
Bezpieczeństwo przechowywania, przetwarzania i przesyłania danych osobowych w systemach informatycznych na przykładzie projektu realizowanego w Dolnośląskim Centrum Transplantacji Komórkowych z Krajowym Bankiem Dawców Szpiku	
Jan Ruta, Krzysztof Białoń, Walenty Szagadin	
Rozdział 3	61
Wdrożenie typowania w zakresie HLA-DPB1	
Anna Maria Gronkowska, Patrycja Rybarczyk, Wiesław Wiktor Jędrzejczak	
Rozdział 4	77
Wdrożenie typowania genów KIR	
Jacek Nowak, Marta Rogatko-Koroś, Renata Mika-Witkowska, Agnieszka Długokęcka, Elżbieta Graczyk-Pol	
Rozdział 5	91
Analiza i znaczenie kliniczne polimorfizmu genu kodującego czynn timer pochodzenia stromalnego 1 (SDF-1/CXCL12)	
Katarzyna Bogunia-Kubik	
Rozdział 6	105
Polimorfizm rs1800629 (–308 G/A) promotorowej części genu <i>TNF-α</i> – znaczenie kliniczne i biologiczne	
Emilia Jaskuła	

Rozdział 7	125
Polimorfizm rs1800795 (–174 G/C) promotorowej części genu <i>IL-6</i> – znaczenie biologiczne i kliniczne oraz sposób oznaczania	
Emilia Jaskuła	
Rozdział 8	153
Charakterystyka polimorfizmu genu <i>NOD2/CARD15</i> oraz opis wybranych metod jego identyfikacji	
Przemysław Czajka	
Rozdział 9	173
Identyfikacja komórek produkujących interleukiny 17 w odniesieniu do sytuacji klinicznej i predyspozycji genetycznej odpowiedzi na bakterie jelitowe	
Aleksandra Klimczak, Andrzej Lange	
Rozdział 10	187
Interferon γ – ważna cytokina i istotny polimorfizm jej genu	
Andrzej Lange	
Rozdział 11	199
Polimorfizmy rs18000896 (–1082 G/A), rs18000871 (–819 C/T), rs18000872 (–592 C/A) promotorowej części genu <i>IL-10</i> – znaczenie biologiczne i kliniczne oraz sposób oznaczania	
Emilia Jaskuła, Andrzej Lange	
Rozdział 12	233
Analiza i znaczenie kliniczne polimorfizmu genu kodującego receptor chemokinowy CCR5	
Katarzyna Bogunia-Kubik	
Rozdział 13	243
Charakterystyka mikromacierzy porównawczej hybrydyzacji genomowej jako narzędzia badań cytogenetyki molekularnej	
Paweł Skiba, Przemysław Czajka	